

Наименование проекта, ИРН	AP23490023 Нодулярный дерматит КРС: переносчики, ареал распространения, информированность населения и генетическая характеристика рекомбинантного вакциноподобного штамма циркулирующего на территории Казахстана
Сроки реализации	01.01.2024-31.12.2026
Руководитель проекта	Исимов Арман Муратоллиевич, PhD
Реферат	<p>Проект направлен на изучение эпизоотической ситуации по нодулярному дерматиту (НД) среди невакцинированного поголовья крупного рогатого скота (КРС) в Северном и Западном Казахстане. Впервые будут определены полные нуклеотидные последовательности генов рекомбинантных вакциноподобных штаммов вируса, циркулирующих в Казахстане.</p> <p>Результаты проекта станут основой для оценки влияния рекомбинаций на вирулентность и трансмиссионную способность вируса, а также для разработки инактивированной вакцины. Проект поддерживает охрану здоровья животных, предотвращение НД и повышение ветеринарной безопасности.</p> <p>Полученные данные будут способствовать улучшению диагностики, мониторинга и отчетности, а также повышению осведомленности о НД в странах Центральной Азии.</p>
Цели	<i>Целью проекта</i> является выявление вируса нодулярного дерматита (ВНД), определение основных векторов его передачи (переносчиков), анализ географического распространения, а также генетическая характеристика вируса, циркулирующего на территории Республики Казахстан.
Ожидаемые результаты	<ul style="list-style-type: none"> • Осуществление отбора образцов биологического материала от животных, а также отлов мух и клещей для исследования на присутствие ВНД. • Проведение определения антител и ДНК ВНД в исследуемых пробах животных. Ожидается, что некоторые из проанализированных образцов окажутся положительными на антитела и ДНК вируса НД, что позволит выявить рекомбинантные события, связанные с вакциноподобными полевыми изолятами, циркулирующими в Казахстане. • Установление видовой принадлежности мух <i>Stomoxys spp.</i> и клещей <i>Ixodes spp.</i> как основных переносчиков ВНД, обитающих на территории Казахстана. • Проведение секвенирования для сопоставления геномных компонентов с филогенетическим деревом с целью определения происхождения вируса. • Осуществление анкетирования фермеров и ветеринарных специалистов методом рандомной выборки в районах без истории вакцинации, расположенных на севере и западе страны.
Исследовательская группа	<i>Руководитель:</i> Исимов Арман Муратоллиевич, PhD ORCID 0000-0002-0486-0054; Scopus Author ID 57215650499 Кутумбетов Леспек Бекболатович, доктор ветеринарных наук, профессор. Индекс Хирша (h-index) по Web of Science -

	<p>8,0, по Scopus - 9,0. • Scopus Author ID 56204110000; ORCID 0000-0001-8481-0673</p> <p>Жугунисов Куандык Даулетбаевич, PhD, Имеет более 15 публикаций Scopus Author ID 56784395500; ORCID 0000-0003-4238-5116</p> <p>Нисанова Райхан Куановна, к.б.н , Имеет более 10 публикаций Scopus Author ID 56149053800</p> <p>Саржігітова Асылай Темірханқызы, Магистр Естественных наук Индекс Хирша (h-index) Scopus-1, Scopus Author ID 58141523200; ORCID 0000-0002-0394-4053</p> <p>Кемалова Назерке Кенжалықызы, Магистр Естественных наук ORCID 0000-0002-1507-7241</p>
<p>Список опубликованных работ</p>	<p>-</p>